

5

<130> PR.3021.001 60/105,965 DRUG DISCOVERY

10

15

 $\langle 210 \rangle$  1

<211> 16

<212> PRT

20

<400> 1

His Gly Asp Ser Ala Val Tyr Asp Thr Ile Val Arg Met Ala  
Gln Asn

1

5

10

15

 $\langle 210 \rangle$  2

<211> 173

<212> PRT

<213> Neisseria gonorrhoeae

&lt;400&gt; 2

Met Thr Asp Ala Thr Ile Arg His Asp His Lys Phe Ala Leu  
Glu Thr

5           1                           5                           10  
15

Leu Pro Val Ser Leu Glu Asp Glu Met Arg Lys Ser Tyr Leu  
Asp Thr

10                           20                           25                           30

Ala Met Ser Val Ile Val Arg Arg Ala Leu Pro Asp Val Arg  
Asp Gly

15                           35                           40                           45

Leu Lys Pro Val His Arg Arg Val Leu Tyr Ala Met His Glu  
Leu Lys

50                           55                           60

20           Asn Asn Trp Asn Ala Ala Tyr Lys Lys Ser Ala Arg Ile Val  
Gly Asp

65                           70                           75  
80

25           Val Ile Gly Lys Tyr His Pro His Gly Asp Ser Ala Val Tyr  
Asp Thr

85                           90  
95

30           Ile Val Arg Met Ala Gln Asn Phe Ala Met Arg Tyr Val Leu  
Ile Asp

100                           105                           110

09219367-122800

```

Gly Gln Gly Asn Phe Gly Ser Val Asp Gly Leu Ala Ala Ala
Ala Met
115 120 125
5
Arg Tyr Thr Glu Ile Arg Met Ala Lys Ile Ser His Glu Met
Leu Ala
130 135 140
10
Asp Ile Glu Glu Glu Thr Val Asn Phe Gly Pro Asn Tyr Asp
Gly Ser
145 150 155
160
15
Glu His Glu Pro Leu Val Leu Pro Thr Arg Phe Pro Thr
165 170
20
<210> 3
<211> 261
<212> PRT
<213> Neisseria gonorrhoeae
25
<400> 3
Met Gly Phe Leu Gln Gly Lys Lys Ile Leu Ile Thr Gly Met
Ile Ser
1 5 10
15
30
Glu Arg Ser Ile Ala Tyr Gly Ile Ala Lys Ala Cys Arg Glu
Gln Gly
20 25 30

```

	Ala Glu Leu Ala Phe Thr Tyr Val Val Asp Lys Leu Glu Glu			
	Arg Val			
	35	40	45	
5				
	Arg Lys Met Ala Ala Glu Leu Asp Ser Glu Leu Val Phe Arg			
	Cys Asp			
	50	55	60	
10				
	Val Ala Ser Asp Asp Glu Ile Asn Gln Val Phe Ala Asp Leu			
	Gly Lys			
	65	70	75	
	80			
15				
	His Trp Asp Gly Leu Asp Gly Leu Val His Ser Ile Gly Phe			
	Ala Pro			
	85	90		
	95			
20				
	Lys Glu Ala Leu Ser Gly Asp Phe Leu Asp Ser Ile Ser Arg			
	Glu Ala			
	100	105	110	
	Phe Asn Thr Ala His Glu Ile Ser Ala Tyr Ser Leu Pro Ala			
25	Leu Ala			
	115	120	125	
	Lys Ala Ala Arg Pro Met Met Arg Gly Arg Asn Ser Ala Ile			
	Val Ala			
30	130	135	140	

145	150	155
160		

Gly Met Ala Lys Ala Ser Leu Glu Ala Gly Ile Arg Phe Thr  
Ala Ala

175 165 170

Cys Leu Gly Lys Glu Gly Ile Arg Cys Asn Gly Ile Ser Ala  
Gly Pro

180 185 190

Ile Lys Thr Leu Ala Ala Ser Gly Ile Ala Asp Phe Gly Lys  
Leu Leu

195                      200                      205

Gly His Val Ala Ala His Asn Pro Leu Arg Arg Asn Val Thr  
Ile Glu

210                      215                      220

Glu Val Gly Asn Thr Ala Ala Phe Leu Leu Ser Asp Leu Ser  
Ser Gly

225                      230                      235  
240

Ile Thr Gly Glu Ile Thr Tyr Val Asp Gly Gly Tyr Ser Ile  
Asn Ala

245 250

255

0 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36 37 38 39 40 41 42 43 44 45 46 47 48 49 50 51 52 53 54 55 56 57 58 59 60 61 62 63 64 65 66 67 68 69 70 71 72 73 74 75 76 77 78 79 80 81 82 83 84 85 86 87 88 89 90 91 92 93 94 95 96 97 98 99 100 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114 115 116 117 118 119 120 121 122 123 124 125 126 127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138 139 140 141 142 143 144 145 146 147 148 149 150 151 152 153 154 155 156 157 158 159 160 161 162 163 164 165 166 167 168 169 170 171 172 173 174 175 176 177 178 179 180 181 182 183 184 185 186 187 188 189 190 191 192 193 194 195 196 197 198 199 200 201 202 203 204 205 206 207 208 209 210 211 212 213 214 215 216 217 218 219 220 221 222 223 224 225 226 227 228 229 230 231 232 233 234 235 236 237 238 239 240 241 242 243 244 245 246 247 248 249 250 251 252 253 254 255 256 257 258 259 260 261 262 263 264 265 266 267 268 269 270 271 272 273 274 275 276 277 278 279 280 281 282 283 284 285 286 287 288 289 290 291 292 293 294 295 296 297 298 299 300 301 302 303 304 305 306 307 308 309 310 311 312 313 314 315 316 317 318 319 320 321 322 323 324 325 326 327 328 329 330 331 332 333 334 335 336 337 338 339 340 341 342 343 344 345 346 347 348 349 350 351 352 353 354 355 356 357 358 359 360 361 362 363 364 365 366 367 368 369 370 371 372 373 374 375 376 377 378 379 380 381 382 383 384 385 386 387 388 389 390 391 392 393 394 395 396 397 398 399 400 401 402 403 404 405 406 407 408 409 410 411 412 413 414 415 416 417 418 419 420 421 422 423 424 425 426 427 428 429 430 431 432 433 434 435 436 437 438 439 440 441 442 443 444 445 446 447 448 449 450 451 452 453 454 455 456 457 458 459 460 461 462 463 464 465 466 467 468 469 470 471 472 473 474 475 476 477 478 479 480 481 482 483 484 485 486 487 488 489 490 491 492 493 494 495 496 497 498 499 500 501 502 503 504 505 506 507 508 509 510 511 512 513 514 515 516 517 518 519 520 521 522 523 524 525 526 527 528 529 530 531 532 533 534 535 536 537 538 539 540 541 542 543 544 545 546 547 548 549 550 551 552 553 554 555 556 557 558 559 560 561 562 563 564 565 566 567 568 569 570 571 572 573 574 575 576 577 578 579 580 581 582 583 584 585 586 587 588 589 590 591 592 593 594 595 596 597 598 599 600 601 602 603 604 605 606 607 608 609 610 611 612 613 614 615 616 617 618 619 620 621 622 623 624 625 626 627 628 629 630 631 632 633 634 635 636 637 638 639 640 641 642 643 644 645 646 647 648 649 650 651 652 653 654 655 656 657 658 659 660 661 662 663 664 665 666 667 668 669 670 671 672 673 674 675 676 677 678 679 680 681 682 683 684 685 686 687 688 689 690 691 692 693 694 695 696 697 698 699 700 701 702 703 704 705 706 707 708 709 710 711 712 713 714 715 716 717 718 719 720 721 722 723 724 725 726 727 728 729 730 731 732 733 734 735 736 737 738 739 740 741 742 743 744 745 746 747 748 749 750 751 752 753 754 755 756 757 758 759 760 761 762 763 764 765 766 767 768 769 770 771 772 773 774 775 776 777 778 779 780 781 782 783 784 785 786 787 788 789 790 791 792 793 794 795 796 797 798 799 800 801 802 803 804 805 806 807 808 809 810 811 812 813 814 815 816 817 818 819 820 821 822 823 824 825 826 827 828 829 830 831 832 833 834 835 836 837 838 839 840 841 842 843 844 845 846 847 848 849 850 851 852 853 854 855 856 857 858 859 860 861 862 863 864 865 866 867 868 869 870 871 872 873 874 875 876 877 878 879 880 881 882 883 884 885 886 887 888 889 890 891 892 893 894 895 896 897 898 899 900 901 902 903 904 905 906 907 908 909 910 911 912 913 914 915 916 917 918 919 920 921 922 923 924 925 926 927 928 929 930 931 932 933 934 935 936 937 938 939 940 941 942 943 944 945 946 947 948 949 950 951 952 953 954 955 956 957 958 959 960 961 962 963 964 965 966 967 968 969 970 971 972 973 974 975 976 977 978 979 980 981 982 983 984 985 986 987 988 989 990 991 992 993 994 995 996 997 998 999 1000 1001 1002 1003 1004 1005 1006 1007 1008 1009 1010 1011 1012 1013 1014 1015 1016 1017 1018 1019 1020 1021 1022 1023 1024 1025 1026 1027 1028 1029 1030 1031 1032 1033 1034 1035 1036 1037 1038 1039 1

Leu Ser Thr Glu Gly

260

- 5      <210> 4  
         <211> 28  
         <212> DNA  
         <213> Neisseria gonorrhoeae
- 10      <400> 4  
         gtccgccatg gcaggtttct cgacaaac  
         28
- <210> 5  
15      <211> 45  
         <212> DNA  
         <213> Neisseria gonorrhoeae
- <400> 5  
20      catacggacg atggtgccgt aaactgcgaa atcgccgtgg gggtg  
         45
- <210> 6  
         <211> 45  
25      <212> DNA  
         <213> Neisseria gonorrhoeae
- <400> 6  
         cacccccacg gcgatttcgc agtttacggc accatcgccc gtatg  
30      45
- <210> 7

0919667.13800

<213> Neisseria gonorrhoeae

<213> Neisseria gonorrhoeae

<213> Neisseria gonorrhoeae

<400> 10

cacggcgatt ccgcagttta cgacacaatc gtccgtatgg cgcaaaattt  
cgc 53

5 <210> 11  
<211> 18  
<212> DNA  
<213> Neisseria gonorrhoeae

10 <400> 11  
tccatcccga caaattcg  
18

15 <210> 12  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Neisseria gonorrhoeae

20 <400> 12  
ttgcggtagt gttcgaccag  
20

25 <210> 13  
<211> 35  
<212> DNA  
<213> Neisseria gonorrhoeae

30 <400> 13  
ggaattccat atgcgtatatt gaaacgtcca atgcc  
35

<210> 14  
<211> 21

09749867 122800



<212> DNA

<213> Neisseria gonorrhoeae

<400> 14

5 gcacctgcag caatgcggta c

21

008227 1985 12 28 00